

## 拟聘人员基本情况表

姓名	胡伦	性别	男	
学历学位	研究生/博士	毕业学校	香港理工大学	
出生日期	1985 年 7 月	拟聘部门	多语种信息技术研究室	
<b>学习经历（学校、专业、学历、获得学位情况等，从大学填起）：</b>				
时间	国家	院校	专业	学位
2002.9-2006.6	中国	华中科技大学	自动化	学士
2007.9-2008.10	中国香港	香港理工大学	信息技术	硕士
2011.2-2015.5	中国香港	香港理工大学	计算机科学与技术	博士
<b>工作经历（工作单位、工作岗位、工作类型等）：</b>				
时间	国家	单位	职务	
2008.11-2011.1	中国香港	Infinite Financial Solutions Ltd .	高级技术分析师	
2015.7-至今	中国	武汉理工大学	副教授	
<b>主要科研成果：</b>				
1、发表论文				
[1] <b>Lun Hu</b> （胡伦），Keith C. C. Chan, Xiaohui Yuan and Shengwu Xiong. A variational Bayesian framework for cluster analysis in a complex network. IEEE Transactions on Knowledge and Data Engineering, 2019, DOI: 10.1109/TKDE.2019.2914200, 他引次数： 0.				
[2] <b>Lun Hu</b> （胡伦），Pengwei Hu, Xiaohui Yuan, Xin Luo and Zhu-Hong You. Incorporating the Coevolving Information of Substrates in Predicting HIV-1 Protease Cleavage Sites. IEEE/ACM Transactions on Computational Biology and Bioinformatics, 2019, DOI: 10.1109/TCBB.2019.2914208, 他引次数： 0.				
[3] Xin Luo*, Mengchu Zhou, Shuai Li, <b>Lun Hu</b> （胡伦）* and Mingsheng Shang. Non-negativity constrained missing data estimation for high-dimensional and sparse matrices from industrial applications. IEEE Transactions on Cybernetics, 2019, DOI: 10.1109/TCYB.2019.2894283, 他引次数： 4.（* 共同一作）				
[4] <b>Lun Hu</b> （胡伦），Xiaohui Yuan, Xin Liu, Shengwu Xiong and Xin Luo. Efficiently Detecting Protein Complexes from Protein Interaction Networks via Alternating Direction Method of Multipliers. IEEE/ACM Transactions on Computational Biology and Bioinformatics, 2018, DOI: 10.1109/TCBB.2018.2844256, 他引次数： 3.				
[5] Tiantian He*, <b>Lun Hu</b> （胡伦）*, Keith C. C. Chan and Pengwei Hu. Learning Latent Factors for Community Identification and Summarization. IEEE Access, 2018, 6: 30137-30148, 他引次数： 2.（* 共同一作）				

[6] **Lun Hu (胡伦)**, Xiaohui Yuan, Pengwei Hu and Keith C. C. Chan. Efficiently predicting large-scale protein-protein interactions using MapReduce. Computational biology and chemistry, 2017, 69: 202-206, 他引次数: 3.

[7] **Lun Hu (胡伦)** and Keith C. C. Chan. Extracting Coevolutionary Features from Protein Sequences for Predicting Protein-Protein Interactions. IEEE/ACM Transactions on Computational Biology and Bioinformatics, 2017, 14(1): 155-166, 他引次数: 6.

[8] **Lun Hu (胡伦)** and Keith C. C. Chan. Fuzzy clustering in a complex network based on content relevance and link structures. IEEE Transactions on Fuzzy Systems, 2016, 24(2): 456-470, 他引次数: 30.

[9] **Lun Hu (胡伦)** and Keith C. C. Chan. A density-based clustering approach for identifying overlapping protein complexes with functional preferences. BMC Bioinformatics, 2015, 16(1): 174, 他引次数: 18.

[10] **Lun Hu (胡伦)** and Keith C. C. Chan. Discovering variable-length patterns in protein sequences for protein-protein interaction prediction. IEEE Transactions on NanoBioscience, 2015, 14(4): 409-416, 他引次数: 9.

## 2. 曾主持（参与）的主要科研项目

项目名称	起止时间	经费额度	经费来源	承担角色
大规模蛋白质相互作用网络中可重叠复合物的识别算法研究	2017.1 - 2019.12	人民币 20 万	国家自然科学基金委员会	主持
基于生成式概率模型的大规模复杂网络聚类分析	2016.1 - 2017.12	人民币 5 万	湖北省科技厅	主持
藏文文献资源数字化技术集成与应用	2017.12 - 2020.11	人民币 2943 万	国家科技部	参与